# СРАВНИТЕЛЬНАЯ ГЕНОМИКА И НАПРАВЛЕНИЯ ЭКОЛОГИЧЕСКОЙ АДАТПАЦИИ НИЗШИХ МНОГОКЛЕТОЧНЫХ РОДА Trichoplax

м.н.с. отдела эволюцонной биохимии Никитин М.А.

> Москва 2014

### TRICHOPLAX ADHAERENS

### 3 слоя клеток

- Нет тканей, органов, базальных мембран, нервных и мышечных клеток, пищеварительной полости
- Половое размножение наблюдать не удалось
- В геноме имеются Нох-гены и другие регуляторы развития
- Есть основные молекулярные компоненты нервной системы

### РАЗНООБРАЗИЕ PLACOZOA

Встречаются во всех тропических и субтропических морях

Trichoplax adhaerens Grell

- Более 50 известных изолятов по генетическим дистанциям соответствуют видам
- Никаких морфологических различий
- Единственное экологическое различие изолятов разные предпочитаемые температуры



Placozoa sp. H4

### СЕКВЕНИРОВАНИЕ И СБОРКА ГЕНОМА

- 2 запуска Illumina
  MiSeq 15 млн пар
  чтений (250+250
  п.н.)
- Значительная прокариотическая контаминация до 10%
- Фильтрация ридов по геномному профилю (MetaGene, ClaMS)
- Сборка SPADES
- Длина сборки 118,5 Мbp, N50 71,5 kbp <sup>4</sup>

# ПРЕДСКАЗАНИЕ ГЕНОВ

- 20 млн пар чтений RNAseq на Illumina HiSeq (100+100)
- Обучение Augustus на выборке из 400 генов, предсказанных Седта
- Предсказание генов Augustus с учетом данных RNAseq и белков изолята H1

# Предсказано 12 760 белков – на 1240 больше, чем в опубликованном геноме H1

- Собрано 9467 пар ортологичных генов изолятов Н1-Н4 (Blast bi-directional best hits)
- После дивергенции Н1-Н4 в геноме Н4 подверглись дупликациям 1188 генов, произошло 257<sub>5</sub>0 дупликаций

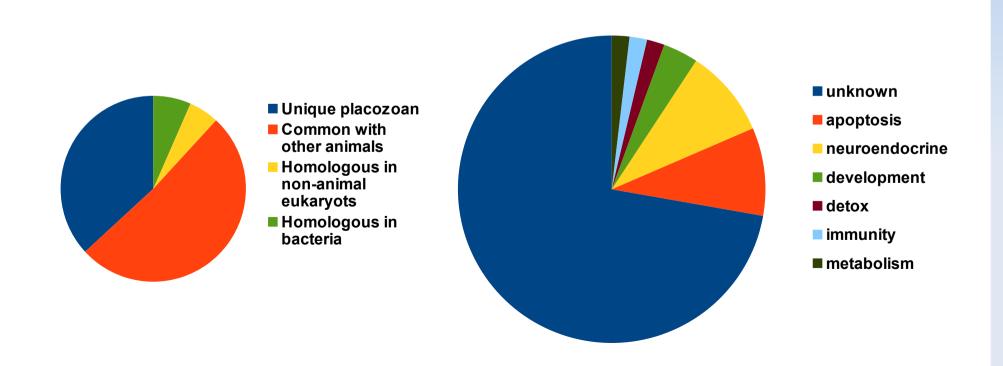
### ПОИСК ОТБОРА В ОРТОЛОГАХ

(Ka-Ks Calculator, modified LPB (Tseng, 2004)

9467 пар ортологов Н1-Н4: 69 генов под движущим отбором

Происхождение

Функции



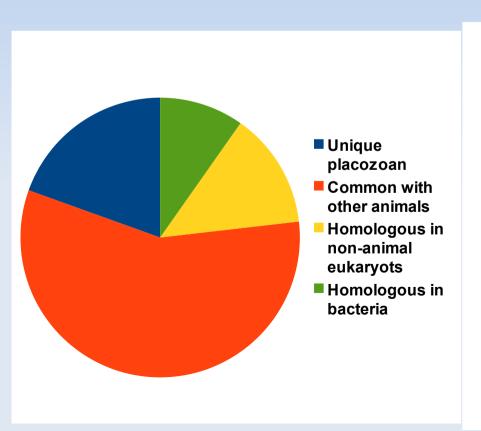
# ПОИСК ОТБОРА В ДУПЛИКАЦИЯХ

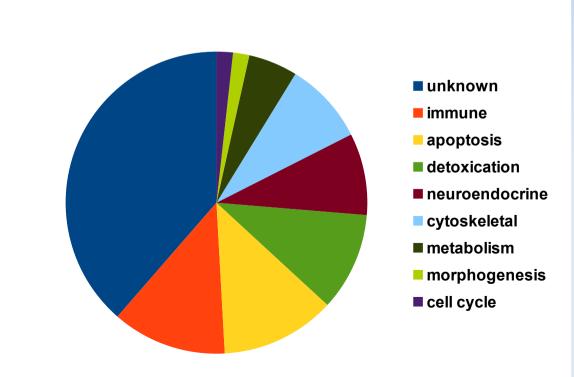
3758 пар недавно дуплицированных генов Н4:

143 гена под движущим отбором (р<0.05)

### Происхождение

### Функции





# ГЕНЫ ПОД ОТБОРОМ

### Под отбором находятся:

- гены с предполагаемыми имунными функциями (DSCAM, CC chemokine receptor, macrophage mannose receptor, scavenger receptor)
- гены апоптозного каскада и ядерного импорта
- гены систем детоксикации (Cyt P450)
- рецепторы пептидных гормонов/нейропептидов, транспортеры нейромедиаторов
- гены, не имеющие гомологов за пределами Placozoa

Среди генов под отбором нет ни одного, связанного со сперматозоидами и яйцеклетками!

# ПОТЕНЦИАЛЬНЫЕ ПАТОГЕНЫ

- 3 вируса с ssDNA геномом и Rolling circle репликацией были обнаружены нами в геномных последовательностях H4 и H1, их репликационные белки находятся под отбором
- в геномных чтениях H4 присутствуют 16S pPHК нескольких групп бактерий: Silicibacter (Rhodobacterales), Caulobacteriales, Burkholderiales, Pseudomonas, Rickettsiales и другие не менее 10
- внутриклеточные паразитические бактерии отряда Rickettsiales (Driscoll et al, 2013) были описаны по фрагментам генома H1
- ген адгезина (фактор вирулентности Hek) в коротких контигах геномов H4 и H1 находится под движущим отбором, принадлежит какой-то внеклеточной бактерии

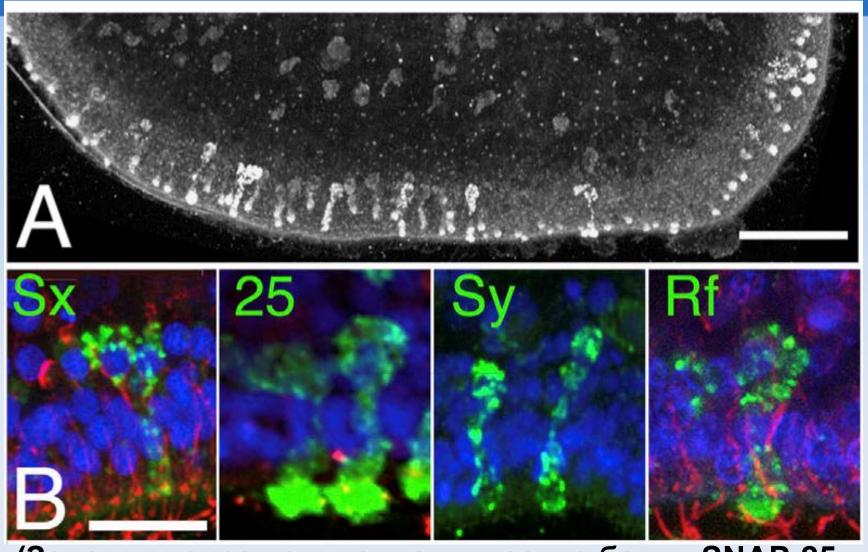
# ДРУГИЕ НАПРАВЛЕНИЯ ИССЛЕДОВАНИЯ Trichoplax:

**Иммуногистохимическая локализация нейромедиаторов** (совместно с лабораторией сравнительной физиологии ИБР РАН)

(Зеленым окрашены захватывающие серотонин клетки в краевой зоне тела трихоплакса)

# ДРУГИЕ НАПРАВЛЕНИЯ ИССЛЕДОВАНИЯ Trichoplax:

Иммуногистохимическая локализация нейромедиаторов



(Зеленым окрашены синаптические белки SNAP-25, Syntaxin, Synaptobrevin и нейропептид FMRFамид)

# ДРУГИЕ НАПРАВЛЕНИЯ ИССЛЕДОВАНИЯ Trichoplax:

Опубликованы предсказания нейропептидов (Nikitin M.A. Bioinformatic prediction of Trichoplax adhaerens regulatory peptides // Gen. Comp. Endocrinology. 2014; doi:10.1016/j.ygcen.2014.03.049

Работа по экспериментальному обнаружению нейропептидов методами жидкостной хроматографии и масс-спектрометрии

(совместно с лабораторией протеомики ИБХ РАН)

# ВЫРАЖАЕМ БЛАГОДАРНОСТИ:

- В.В. Алешину и К.В. Михайлову (НИИ ФХБ)
- С. Кремневу (биологический факультет МГУ)
- Е. Воронежской и Е. Цетрину (ИБР РАН)
- Е. Ивашкину (Институт Мозга РАМН)
- Р. Зиганшину (ИБХ РАН)